オーバレイネットワークにおけるアトラクタ選択モデルを用いた マルチパス経路制御手法の提案と評価

井上 貴博 若宮 直紀 村田 正幸

† 大阪大学 大学院情報科学研究科

〒 565-0871 大阪府吹田市山田丘 1-5

E-mail: †{t-inoue,wakamiya,murata}@ist.osaka-u.ac.jp

あらまし オーバレイネットワークは,リンク,ルータなどの物理網資源を共有,競合するため,あるオーバレイネッ トワークからみた通信品質は他のオーバレイネットワークの影響を受け,大きく変動する.我々の研究グループでは, ネットワークの環境変動のもとで,適応的かつ安定して高品質なオーバレイ通信を行うための,オーバレイマルチパス 経路制御手法を提案している.本稿では,生物システムにおける柔軟な環境適応の非線形数理モデルであるアトラク 夕選択モデルを拡張し,経路の負荷に応じて複数の経路にトラヒックを配分する手法を提案する.シミュレーション評 価により,バックグランドトラヒックの影響による経路の負荷状態の変動に応じて,オーバレイネットワークが適応 的にトラヒックを経路間で割り振るとともに,トラヒック量を調整するマルチパス経路制御が達成できることを示す. キーワード オーバレイネットワーク,アトラクタ選択モデル,マルチパス経路制御

Attractor selection-based multipath routing in overlay networks

Takahiro INOUE[†], Naoki WAKAMIYA[†], and Masayuki MURATA[†]

† Graduate School of Information Science and Technology, Osaka University 1-5 Yamadaoka, Suita-shi, Osaka 565-0871, Japan E-mail: †{t-inoue,wakamiya,murata}@ist.osaka-u.ac.jp

Abstract Since a variety of overlay networks shares and competes for shared physical resources such as routers and links, the quality of communication provided to an overlay network dynamically changes and such changes cannot be predicted. In this paper, by adopting a nonlinear mathematical model called an attractor selection model for flexible and adaptive behavior of biological systems to dynamically changing environment, we propose an adaptive multipath routing mechanism for overlay networks. Our proposed mechanism distributes traffic among multiple available paths taking into account their loads. In addition, the amount of traffic injected into a network is also dynamically adapted by being based on the attractor selection model. Simulation results indicate that our proposal successfully controls traffic in an adaptive manner under the condition where loads on paths dynamically change being affected by background traffic.

Key words Overlay Network, Attoractor Selection Model, Multipath Routing

1. はじめに

多様なアプリケーションやネットワークサービスの通信品質 要求を満足するため,インターネット上には様々なオーバレイ ネットワークが構築されており,それぞれがスループットや遅 延などを向上させるように独立に経路制御,トラヒック制御, トポロジ制御などを行っている.

オーバレイネットワークは互いにリンクやルータなどの物理 網資源を共有するため,あるオーバレイネットワークの利己的 な制御は他のオーバレイネットワークの性能低下や新たな利己 的制御を引き起こす.例えば,ある物理リンクが輻輳すると, その物理リンクを使用しているオーバレイネットワークは,通 信品質の改善のため,他の空いている物理リンクを利用するよ うにトポロジや経路を変更する.その結果,空いていた物理リ ンクを使用していたオーバレイネットワークの通信品質が低下 し,性能向上のための適応的,利己的な制御を実施するように なる.また,元々輻輳していたリンクの負荷状態が軽減される ため,他のオーバレイネットワークがそのリンクを使用するよ うにトポロジを変更することも考えられる.このように,オー バレイネットワークが物理網資源を共有する環境では,オーバ レイネットワークの利己的な制御が連鎖的に引き起こされ,シ ステムが不安定になり,結果として,ネットワークシステム全 体の性能が劣化することが指摘されている[1],[2].

このような資源共有環境におけるオーバレイネットワークの 性能劣化の解消,システム安定性の向上を図る提案がいくつか なされている.例えば,文献[1]では,オーバレイネットワー クが greedy に通信品質が最大の経路を選択することがシステ ムの不安定性を引き起こすことを明らかにし,利用可能帯域に 比例した確率で経路を選択する,あるいはランダムに選択した 経路候補のうち品質が最も高い経路を選択するなどの手法を用 いることにより,利己的制御の連鎖を抑え,オーバレイネット ワークの経路変更回数を減らせることを示している.

我々の研究グループでは,物理網資源を共有する他のオーバ レイネットワークの振る舞いなどによってネットワークの負荷 状態が変動する環境において,高品質で安定した通信を行うた めのオーバレイマルチパス経路制御手法を提案している[3].提 案手法では,環境変化に対する適応性と制御の安定性を獲得す るため,生物システムにおける環境適応メカニズムの非線形数 理モデルであるアトラクタ選択モデルを応用している.パクテ リアは内部に明示的な適応ルールを持たないにもかかわらず, 環境の栄養状態に応じて,適応的に不足している栄養素を生成 し,自身の活性度や成長率が向上するように振る舞う[4].提案 手法では,生物システムにおける環境の栄養状態をオーバレイ ネットワークにおける経路の通信品質,栄養の生成を経路選択, および活性度を通信性能にそれぞれ対応づけることにより,適 応的で安定な経路制御を実現している.

本稿では,通信環境変動に応じて負荷分散を考慮しながら適応的に安定した通信を実現するオーバレイマルチパス経路制御手法を提案し,その有効性をシミュレーションによって評価する.提案手法では,拡張したアトラクタ選択モデルにもとづいてそれぞれの経路へのトラヒック配分を決定するとともに,ネットワークへ送出するトラヒック量を制御する.

以下,2.では,拡張したアトラクタ選択モデルの概要につい て述べ,3.で,拡張したアトラクタ選択モデルにもとづくオー バレイマルチパス経路制御手法を提案する.4.で,提案する 手法の有効性をシミュレーション評価によって示し,最後に5. で,本稿のまとめと今後の課題について述べる.

2. 拡張アトラクタ選択モデル

アトラクタとは,非線形ダイナミクスにおいて,初期状態か ら過渡状態を経てシステムが安定的に収束する状態を指す.ア トラクタ選択モデルは,バクテリアが培地内の栄養状態に応じ た適切な栄養生成,すなわちアトラクタを適応的に選択する振 る舞いをモデル化した非線形数理モデルである.

培地内にはバクテリアの成長にとって必須な栄養 a, b があ り, これらの栄養はバクテリア体内でも生成される.また,バ クテリア内外の栄養の濃度差により,細胞膜の浸透によって, バクテリアと培地間で栄養がやりとりされる.拡張したアトラ クタ選択モデルでは, バクテリア $i(1 \le i \le H)$ の体内における栄養 a, b それぞれの生成量 $xs1_i$, $xs2_i$ の変化は時間発展方程式 (1) および式 (2) によって計算される. なお, H は培地内のバクテリア数である.

$$\frac{d}{dt}xs1_{i} = \mu_{i}\left(\frac{1}{1 + (xs2_{i} \times 10)^{2}} - xs1_{i}\right) + \eta(t)$$
(1)

$$\frac{d}{dt}xs2_{i} = \mu_{i}\left(\frac{1}{1 + (xs1_{i} \times 10)^{2}} - xs2_{i}\right) + \eta(t)$$
(2)

ここで, μ_i (0 $\leq \mu_i \leq 1$)はバクテリア *i* の成長率を表すアク ティビティと呼ばれる値であり,式(3)で与えられる. $\eta(t)$ は 白色ガウス雑音であり,バクテリア内外のノイズやゆらぎに 起因する生成量の変化に相当する.式(1)および式(2)の右辺 第1項の括弧内は,アトラクタのポテンシャルを与える式で ある.バクテリア内の栄養生成は相互抑制関係にあり,本式で は,栄養の生成量は $xs1_i \rightarrow 1$, $xs2_i \rightarrow 0$, または $xs1_i \rightarrow 0$, $xs2_i \rightarrow 1$ のいずれかのアトラクタに収束する.右辺第1項に は成長率 μ_i が乗算されているため,成長率 μ_i が高いときには アトラクタのポテンシャルが深くなり,アトラクタへ引き込ま れ,状態が安定する.一方,成長率 μ_i が小さいときには,右辺 第1項に対してノイズ項の影響が大きくなり,バクテリア内の 栄養生成量の変化量はノイズによってランダムに決定される.

バクテリアiの成長率 μ_i は次式により与えられる.

$$\mu_{i} = \frac{1}{(1 + \frac{0.5}{xao + xs1_{i} - CON_{-}A\mu_{i}})^{2}} \times \frac{1}{(1 + \frac{0.5}{xbo + xs2_{i} - CON_{-}B\mu_{i}})^{2}}$$
(3)

xao, xbo はそれぞれ培地内の栄養 a, 栄養 b の濃度である.また, CON_A , CON_B は, それぞれバクテリアが成長に消費 する栄養 a, 栄養 b の量を表す定数である.式 (3) により, 成 長のための栄養消費 CON_A , CON_B に対して体内で生成さ れる栄養量 $xs1_i$, $xs2_i$ と培地の栄養量 xao, xbo が十分であれ ばバクテリア i の成長率 μ_i は 1 に近くなり, いずれかの栄養が 不十分であれば, バクテリアは成長できず, 成長率 μ_i が 0 に 近くなる.

培地内の栄養 a, および栄養 b の濃度 *xao*, *xbo* の変化はそ れぞれ,式(4),式(5)で与えられる.

$$\frac{d}{dt}xao = 0.3(F_a - xao) + \sum_j xv_j \times (xs1_j - CON_A\mu_j)(4)$$
$$\frac{d}{dt}xbo = 0.3(F_b - xbo) + \sum_j xv_j \times (xs2_j - CON_B\mu_j)(5)$$

バクテリアの培養では外部から反応器へ新しい培地を導入する と同時に同量の培地を反応器から排出しており,右辺第1項は, この操作による培地内の栄養の濃度変化を表す.F_a,F_bは,そ れぞれ外部から導入する培地内の栄養a,栄養bの濃度である. 右辺第2項は,バクテリアと培地間の細胞膜を介した栄養のや りとりを表す.

バクテリア i の体積 xvi は次式により変化する.



(a) 培地の栄養濃度 xao, xbo





⁽b) 栄養 a , b それぞれを生成しているバク テリアの平均アクティビティ

図 1 拡張アトラクタ選択モデルのシミュレーション結果

 $xs2_i$ の全バクテリアの平均

 $\frac{d}{dt}xv_i = \mu_i \times xv_i \tag{6}$

式 (6) に表されるとおり, バクテリア i の体積 xv_i は成長率 μ_i が大きいほど早く増加する.バクテリア i は,体積 xv_i が初期 体積 xv_{init} の 2 倍 になると,細胞分裂し,バクテリア i の体 積 xv_i は xv_{init} になり,同じ体積 xv_{init} の新たなバクテリア H + 1 が生まれる.バクテリア H + 1 の栄養生成量 $xs1_{H+1}$ $,xs2_{H+1}$,および成長率 μ_{H+1} はもとのバクテリア i の栄養生 成量 $xs1_i$, $xs2_i$,および成長率 μ_i とそれぞれ等しい.また,成 長率や栄養状態によらず,単位時間ごとに確率 p でバクテリア i は死に,または反応器から排出され,バクテリア数が減る.

拡張したアトラクタ選択モデルのもとでは,バクテリアは次 のように適応的な栄養生成を行う. 培地内に栄養 a, bの両方 が十分にある場合には,バクテリアがいずれの栄養を生成して いるかによらず成長率は高く, 培地内のバクテリア数が増える. このとき, 培地内には栄養 a をより多く生成するバクテリアと 栄養 b をより多く生成するバクテリアが同数存在する.ここ で, 培地の栄養状態が変化し, 栄養 a の量が不十分な環境を考 える.栄養 a をより多く生成しているバクテリアは,培地内の 栄養 a の不足を体内の栄養 a で補うことにより成長し, 個体数 を増やし続けることができる(式(3)). 一方, 栄養 b をより多 く生成しているバクテリアは, 栄養 a が不足するため, 成長率 が低下する.その結果,式(1),式(2)においてノイズ項の影 響が大きくなり,栄養bをより多く生成していたバクテリアの 中に, 栄養 a をより多く作るバクテリアが現れる.このバクテ リアの成長率は栄養 a を生成することによって増加するため, 栄養 a をより多く作るアトラクタへの引き込みが生じ,安定的 に栄養 a を生成し続けるようになる.一方,栄養 b を生成し続 けているバクテリアは成長率が低下し続けるため,バクテリア 数が減少する.したがって,時間の経過とともに,培地内には 不足している栄養 a をより多く生成するバクテリアが多く存在 するようになり,貧栄養状態でもバクテリアが生存できる.

拡張したアトラクタ選択モデルのシミュレーション結果を示 す.初期バクテリア数を 30,栄養生成量 *xs*1*i*,*xs*2*i*の初期値を いずれも 0.5,初期体積 *xvinit* を 0.01,栄養の消費率 *CON_A* と *CON_B* をいずれも 1.4 とした.また,ノイズ項は平均 0, 分散 0.01 の白色ガウス雑音とした. 培地の栄養濃度 *xao*, *xbo* の初期値をいずれも 3.0 とした.反応器へ導入する培地の栄養 濃度 *F_a*, *F_b*の初期値をいずれも 2 とし,時刻 20 で *F_a*を 0 に 変化させた.

100 秒間のシミュレーションにおける, 培地の栄養濃度 xao, xbo, 栄養 a, bのそれぞれを生成しているバクテリアの平均成 長率, 栄養 a の生成量 $xs1_i$ と栄養 b の生成量 $xs2_i$ の全バクテ リアの平均のそれぞれの変化の様子を図 1(a),図 1(b),図 1(c) に示す.初期状態から収束した後,時刻20秒で栄養 aの供給 が停止され, 培地内の栄養 a の濃度が減少している. このため, 図 2 に示されるように,栄養 b を生成しているバクテリアのア クティビティが低下する.これらのバクテリアは式(1),式(2) のノイズ項の影響により栄養 a を生成するようになり,図1(c) に示されるように,栄養 a の生成量が増加する.その結果,培 地内の栄養 a の濃度 xao が増加し, 栄養 b を生成しているバク テリアのアクティビティも向上する.なお,図1(b)において 時刻 20 秒 以降に栄養 a を生成しているバクテリアの平均アク ティビティが低下しているのは,それまで栄養bを生成してい たアクティビティが低いバクテリアが栄養 a を生成するように なったことによる.本シミュレーションでは,多くのバクテリ アが不足している栄養 a を生成するようになったため,およそ 時刻 43 秒以降で培地内に栄養 a が過剰に存在するようになっ ているが、アクティビティは低下しておらず、バクテリアは十 分に成長を続けることができている.また,時間の経過にとも ない, 培地内に栄養 a, b が同量程度存在するような栄養の生 成が安定して実現されていることがわかる.

3. アトラクタ選択モデルを用いたオーバレイマ ルチパス経路制御手法の提案

本章では,拡張したアトラクタ選択モデルを用いて適応的で 安定したオーバレイマルチパス経路制御を行う手法を提案する. 3.1 対象システム

オーバレイネットワークでは,オーバレイネットワークを構 成するノード間の接続を仮想的,または論理的なリンクと見な した,論理的なトポロジを構成し,経路制御を行う.オーバレ イネットワークのノード間の論理的な経路は,連続した論理リ

 ⁽c) 栄養 a の生成量 xs1_i と栄養 b の生成量
 xs2_i の全パクテリアの平均

ンクによって構成される.また,それぞれの論理リンクは,物 理網の経路制御によって論理リンクの両端のノード間に設定 された物理的な経路,すなわち連続した物理リンクによって実 現される.提案するオーバレイマルチパス経路制御手法では, オーバレイネットワークのあるノード対の間に複数の論理経路 が利用可能であることを前提とするが,必ずしも論理経路が物 理的に独立している必要はない.なお,本稿では複数経路の構 築管理手法は特に定めない.

送信側のノードは,利用可能な複数の論理経路にトラヒック を振り分けて送信する.論理経路を構成する中継ノードが論理 経路に関する情報を保持している場合には,送出するメッセー ジのヘッダに経路の識別子を付加し,送信側ノードのみが経路 情報を持つ場合には,中継するノードのリストをヘッダ情報と して付加する.中継ノードは,メッセージを受信すると,ヘッ ダ情報に従って適切なノードにメッセージを転送する.

3.2 アトラクタ選択モデルにもとづくマルチパス経路制御 手法

本稿では,アトラクタ選択モデルにおけるバクテリアの集合 をセッション,培地内の栄養の濃度を経路の負荷,バクテリア 内の栄養の生成量を経路へのトラヒック配分と見なすことで, 複数経路を負荷に応じて適応的に利用する経路制御手法を提案 する.また,バクテリアの体積をトラヒック量とすることで, ネットワークに送出するトラヒック量も負荷に応じて制御する ことができる.

送受信ノード間には N セッションが存在し, セッション間で 同じ M 本の論理経路を共有しているものとする. セッション $i(1 \le i \le N)$ がネットワークに送出するトラヒック量 T_i は次 式で与えられる.

$$T_i = \sum_{j=1}^{L_i} v_{i,j} \tag{7}$$

ここで, $v_{i,j}$ はトラヒック*i*に属する仮想的な小トラヒック(マイクロトラヒックと呼ぶ)の量であり,前章のアトラクタ選択モデルにおけるバクテリアの体積に相当する.なお, L_i はマイクロトラヒックの数である.セッション*i*が経路 $k(1 \le k \le M)$ に送出するトラヒック量 $T_i(k)$ は次式で定められる.

$$T_{i}(k) = \sum_{j=1}^{L_{i}} v_{i,j} \frac{x_{i,j}(k)}{\sum_{l=1}^{M} x_{i,j}(l)}$$
(8)

なお, $T_i = \sum_{k=1}^M T_i(k)$ である.

セッション i のマイクロトラヒック j のトラヒック量 $v_{i,j}$ の 経路 k への配分率を定める $x_{i,j}(k)$ の変化は,式(2) を M 次元 拡張した次式によって与えられる.

$$\frac{d}{dt}x_{i,j}(k) = \mu_{i,j} \left(\frac{1}{1 + \left(\sum_{l=1, l \neq k}^{M} x_{i,j}(l) \times 10 \right)^2} - x_{i,j}(k) \right) + \eta(t)$$
(9)

アクティビティµ_{i,j} はセッション *i* のマイクロトラヒック *j* にとっての通信効率を表す指標であり,経路の利用状態にもと



図 2 $x_{lim}(k) = 1$ におけるトラヒック量とシグモイド関数の対応

づき次式によって与えられる.

$$\mu_{i,j} = \frac{1}{\prod_{k=1}^{M} \left\{ 1 + \left(\frac{0.5}{\rho(k) + x_{i,j}(k) - C(k)} \right)^2 \right\}}$$
(10)

ここで, *C*(*k*) は経路 *k* の通信容量に比例する定数, *ρ*(*k*) は経路 *k* への負荷を表す.したがって,経路の通信容量に対して負荷とトラヒック配分が十分であればアクティビティが向上することとなり,これによって通信容量に応じた複数経路への負荷分散を実現することができる.

また,経路kの負荷 $\rho(k)$ の変化は次式で与えられる.

$$\frac{d}{dt}\rho(k) = \sum_{i,j} v_{i,j} \times (x_{i,j}(k) - C(k)\mu_{i,j})$$
(11)

実際の動作環境において,オーバレイネットワークが経路負荷を計算するためには,同じ物理網資源を共有している他のオーバレイネットワークの $v_{i,j}$, $x_{i,j}(k)$, $\mu_{i,j}$ を知らなければならない.しかしながら,アプリケーションやユーザごとに設定,構築されるオーバレイネットワークの情報を集中管理する機構は現在存在しない.そのため,文献[1]と同様に計測によって経路の負荷状態を知る,あるいは P4P [5]によって物理網に関する情報を得る,または i3 [6]のような機構によってオーバレイネットワーク間で情報交換を行うといった方法を用いて経路負荷 $\rho(k)$ を算出する.

セッション i のマイクロトラヒック j のトラヒック量 $v_{i,j}$ の 変化は次式で与えられる.

$$\frac{d}{dt}v_{i,j} = \mu_{i,j} \times v_{i,j}$$

$$\times \left(\frac{2}{1 + \sum_{k=1}^{M} \frac{x_{i,j}(k)}{\sum_{l=1}^{M} x_{i,j}(l)} e^{-g(x_{lim}(k) - T(k))}} - 1\right) \quad (12)$$

右辺第3項は,経路 k ごとの総トラヒック量を制限するための項である.アトラクタ選択モデルでは,培地の導入・排出と, パクテリアの細胞分裂・死によって反応器内のパクテリア数が 制御されているが,提案手法ではシグモイド関数によってトラ ヒック量を制御する.x_{lim}(k) は経路 k を流れるトラヒック量 の上限値であり,アプリケーションまたは経路 k の通信容量に よって定められる.経路 k の総トラヒック量 T(k) は次式で与 えられる.



図 4 それぞれの経路のトラヒック量 $T_1(k)$ の時間変化



図 3 シミュレーションに利用する物理トポロジ

$$T(k) = \sum_{i=1}^{N} T_i(k)$$
(13)

経路 k の総トラヒック量 T(k) が 0 に近いときシグモイド関数 により右辺第 3 項は 1 に近くなり,上限値 $x_{lim}(k)$ に近づくと 0 に,さらに上限値を超えると -1 に近くなる(図 2).これに より,経路の総トラヒック量が上限値に満たない場合には右辺 第 1 項と第 2 項によりアクティビティに応じてトラヒック量が 増加し,総トラヒック量が上限値に近づくにつれてトラヒック 量の増加が抑えられ,上限値を超えた場合にはトラヒック量が 減少するようになる.

4. シミュレーション評価

本章では,アトラクタ選択モデルを用いたオーバレイマル チパス経路制御手法の有効性を,シミュレーションにより評価 する.

4.1 シミュレーション条件

シミュレーションには ns-2 を用い,図 3 に示す物理トポロ ジ上に,ノード 0 を送信元,ノード 4 を送信先として 3 本の 論理経路 (M = 3)を構築した.経路によらず,C(k)を 0.5, $x_{lim,1}(k)$ を 0.8 とし,初期負荷 $\rho(k)$ を 0 とした.また,セッ ションは 1 つとし,初期マイクロトラヒック数 $L_1 = 50$,トラ ヒック配分の初期値を $x_{1,j}(k) = 0.2$, $x_{lim,i}(k) = 0.8$ とした. また,アクティビティ μ_i の初期値を 0, $v_{init} = 0.01$ とした.

アトラクタ選択モデルを用いたマルチパス経路制御手法の 有効性を示すため,バックグラウンドトラヒックを加え,セッ ション1がバックグラウンドトラヒックの変化に応じて,適応 的に経路ごとのトラヒック量を変更する事を示す.バックグラ ウンドトラヒックとして,一定のマイクロトラヒックを発生さ

表 1 バックグラウンドトラヒックの時間変動

time (s)	L_2	$v_{2,j}$	$x_{2,j}(1)$	$x_{2,j}(2)$	$x_{2,j}(3)$	$\mu_{2,j}$
0	0	0	0.01	0	0	0.5
300	50	0.01	0.1	0.3	0.6	0.5
600	50	0.01	0.6	0.1	0.3	0.5
900	100	0.01	0.6	0.3	0.1	0.5
1200	100	0.01	0.4	0.2	0.6	0.5
1500	50	0.01	0.1	0.3	0.6	0.5

せるセッション 2 を設定し, L_2 , $v_{2,j}$, $x_{2,j}(k)$, $\mu_{2,j}$ をいずれ も定数とした.表1に示すようにセッション 2 のトラヒック量 を時刻によって変動させ,セッション1の経路ごとのトラヒッ ク量 $T_1(k)$,総トラヒック量 T_1 ,および平均アクティビティ $\mu_i = \sum_{i}^{L_i} \mu_{i,j}/L_i$ の変化を評価する.

4.2 シミュレーション結果

セッション 1 がそれぞれの経路に流すトラヒック量 $T_1(k)$ の 変化を図 4 に,総トラヒック量 T_1 の変化を図 5 に,平均アク ティビティ μ_i の変化を図 6 にそれぞれ示す.

図4より,シミュレーション開始から300秒後,600秒後, 900秒後,1200秒後,1500秒後において,バックグランドト ラヒックの変動に伴い,セッション1がそれぞれの経路に流す トラヒック量が適応的に変化していることがわかる.

セッション 1 はシミュレーション開始から時刻 300 秒 まで, それぞれの経路の容量制限 $x_{lim,1}(k)$ に応じたトラヒックを 送出している.時刻 300 秒 でそれぞれの経路にトラヒック量 $\sum_{j=1}^{L_2} v_{2,j} x_{2,j}(k) = 0.05, 0.15, 0.3$ のバックグランドトラヒッ クが流入することにより,セッション 1 のトラヒック量 $T_i(k)$ がおよそ 0.75, 0.65, 0.5 にそれぞれ減少している.その結果, 図 5 に示されるセッション 1 の総トラヒック量はおよそ 1.9 に 低下している.これは,式(10)にもとづく通信効率の低下に よって式(9)により経路ごとのトラヒック配分が変化するとと もに,式(12)のシグモイド関数によってトラヒック量が抑制さ れることによる.

同様に,時刻 600 秒 でのバックグラウンドトラヒックの経路 配分の変更,時刻 900 秒 でのバックグラウンドトラヒックのト ラヒック量の増加などにもセッション1は適応的に動作し,そ れぞれの経路の負荷状態に応じてトラヒックを配分している.



図 8 マイクロトラヒック 1 のトラヒック配分 $x_{1,1}(k)$ の変化

このような適応的制御においては,それぞれのマイクロトラ ヒックが通信効率を高めるために適応的に動作するため,図6 に示される,平均アクティビティµiの変化は大きくないが,適 応的な振る舞いは,個々のマイクロトラヒックレベルでは顕著 にあらわれている.

図 7 にマイクロトラヒック 1 のアクティビティ $\mu_{1,1}$ の変化を, 図 8 に経路ごとのトラヒック配分 $x_{1,1}(k)$ の変化をそれぞれ示 す.図に示されるとおり,バックグラウンドトラヒックがない 状態では,マイクロトラヒック1の経路2へのトラヒック配分 が比較的大きい.時刻 300 秒 にバックグラウンドトラヒックが 流入することにより,アクティビティµ1.1が低下し,経路2へ のトラヒック配分が減少している.その後,ノイズ項の影響に より,時刻 400 秒 付近で経路1へのトラヒック配分が増加し ている.経路1のバックグランドトラヒック量は小さいため, アクティビティが向上し,新たな負荷変動が生じる時刻600秒 以降まで,経路1のトラヒック配分が大きい状態に安定してい る.このように,バックグランドトラヒックによる経路の負荷 状態の変動にともなってマイクロトラヒック1のトラヒック配 分は適応的に変化するが,ノイズ項,および他のマイクロトラ ヒックの振る舞いの影響を受けるため,必ずしも環境変化に即 応するわけではなく,また,マイクロトラヒック単位で最適な トラヒック配分になるわけではない.

5. おわりに

本稿では,アトラクタ選択モデルにもとづくことにより,経 路の負荷変動に対して適応的にトラヒック量を変更するオーバ レイマルチパス経路制御手法を提案し,シミュレーションによ りその有効性を示した.今後は,複数のオーバレイネットワー クが部分的に物理リンクを共有する場合について,提案手法の 有効性を検証する.

謝 辞

本研究の一部は, 文部科学省グローバル COE プログラム (研 究拠点形成費)の補助によるものである.ここに記して謝意を 表す.

献

文

- M. Seshadri and R. Katz, "Dynamics of simultaneous overlay network routing," Tech. Rep. UCB//CSD-03-1291, EECS, Nov. 2003.
- [2] L. Qiu, Y. R. Yang, Y. Zhang, and S. Shenker, "On selfish routing in Internet-like environments," in *Proceedings* of the 2003 conference on Applications, Technologies, Architectures, and Protocols for Computer Communications, pp. 151–162, Aug. 2003.
- [3] K. Leibnitz, N. Wakamiya, and M. Murata, "Resilient multi-path routing based on a biological attractor-selection scheme," in *Proceedings of the Second International Work*shop on Biologically Inspired Approaches to Advanced Information Technology (Bio-ADIT 2006), pp. 48–63, Jan. 2006.
- [4] A. Kashiwagi, I. Urabe, K. Kaneko, and T. Yomo, "Adaptive response of a gene network to environmental changes by fitness-induced attractor selection," *PLoS ONE*, vol. 1, p. e49, Dec. 2006.
- [5] H. Xie, Y. R. Yang, A. Krishnamurthy, Y. Liu, and A. Silberschatz, "P4P: Provider portal for applications," SIG-COMM Computer Communication Review, vol. 38, no. 4, pp. 351–362, 2008.
- [6] I. Stoica, D. Adkins, S. Zhuang, S. Shenker, and S. Surana, "Internet indirection infrastructure," in *Proceedings of the* 2002 SIGCOMM conference, pp. 73–86, Oct. 2002.